

# О задаче составления расписаний с группировкой машин по технологиям\*

А.В. Еремеев, Ю.В. Коваленко

3 ноября 2011 г.

## Аннотация

Рассматривается задача составления расписаний многопродуктового производства. Особенностью постановки является то, что каждый продукт имеет несколько технологий производства, при выполнении которых используется сразу несколько машин, работающих одновременно. Задача исследуется в двух вариантах: с возможностью прерываний выполнения технологий и без нее. Для обоих случаев построены модели частично целочисленного линейного программирования и разработаны генетические алгоритмы с равномерным кроссинговером и с оптимальной рекомбинацией. Исследована сходимость предложенных алгоритмов. Выполнены численные эксперименты, проведен анализ сложности задачи.

**Ключевые слова:** расписание, переналадка, технология, целочисленное линейное программирование, генетический алгоритм.

## Введение

На практике достаточно часто возникают задачи составления расписаний для производства, где рассматриваются вещества, операции и машины. Вещества подразделяются на исходное сырье, промежуточные и окончательные продукты. В результате выполнения операций происходит преобразование одних веществ в другие. Кроме того, необходимо учитывать погрузку, хранение и транспортировку продуктов, переналадку машин и т. д. Продукты могут производиться либо непрерывно, либо партиями. Требуется построить такое допустимое расписание выпуска продукции, при котором минимизируется общее время завершения выполнения операций.

Ряд работ (см., например, [14, 16, 19, 22, 24]) отличаются тем, что в них рассматриваются не отдельные операции, а технологии, представляющие собой набор операций, в результате действия которых может быть получен тот или иной продукт. Для выполнения технологии необходимо наличие некоторой совокупности машин,

---

\*Это препринт Статьи, принятой для опубликования в журнале «Дискретный анализ и исследование операций» (© Сибирское отделение РАН, 2011 (год), © Институт математики им. С.Л. Соболева СО РАН, 2011 (год)).

работающих одновременно или последовательно друг за другом. В свою очередь каждый продукт может быть произведен одной или более технологиями.

В настоящей статье рассматривается задача составления расписаний с группировкой машин по технологиям, возникающая, например, при производстве пластмасс и являющаяся частным случаем задачи, предложенной в [16]. Здесь в качестве операций рассматриваются химические реакции. Отличительной особенностью данной задачи является то, что при выполнении технологии используется сразу несколько машин, работающих одновременно, при этом, если машина переключается с одной технологии на другую, то необходимо выполнять переналадку. В соответствии с известными обозначениями [10, 13, 22], исследуемая задача обозначается через  $P|set_i, pmtn, s_{luq}|C_{\max}$ , если допускается прерывание выполнения технологий, и  $P|set_i, s_{luq}|C_{\max}$  – в противном случае.

В задачах составления расписаний [1, 13] рассматриваются технологии, действующие при своем выполнении только одну машину. В [10, 11, 14, 19, 22, 23] проводится анализ сложности задач составления расписаний с группировкой машин по технологиям, в которых длительности переналадок машин равны нулю. В [16] технологии рассматриваются при обсуждении постановки задачи, однако, в модели они в явном виде не представлены. Технологии учитываются в явном виде в предложенной нами модели частично целочисленного линейного программирования [6] для задачи  $P|set_i, pmtn, s_{luq}|C_{\max}$ . Данная модель имеет меньшее число переменных и ограничений, чем модель [16] для случая задачи  $P|set_i, pmtn, s_{luq}|C_{\max}$ . Моделирование технологий в явном виде позволяет применить для приближенного решения задач большой размерности эволюционные алгоритмы, где кодировка решений основана на выборе совокупности технологий.

В настоящей статье для рассматриваемых задач предложены генетический алгоритм с равномерным кроссинговером и генетический алгоритм с оптимальной рекомбинацией. В процессе их выполнения решается серия подзадач пониженной размерности в соответствии с предложенной нами моделью частично целочисленного линейного программирования. Исследована сходимость разработанных генетических алгоритмов. Кроме того, выделены новые NP-трудные в сильном смысле и полиномиально разрешимые частные случаи рассматриваемых задач.

Статья построена следующим образом. В § 1 приводится постановка задачи, исследуется ее сложность и формулируется модель частично целочисленного линейного программирования для случая, когда длительности переналадки удовлетворяют неравенству треугольника. В § 2 излагается общая схема генетического алгоритма со стационарной схемой воспроизведения и вариант его адаптации к исследуемой задаче в случае равномерного кроссинговера. В § 3 предлагается генетический алгоритм с оптимальной рекомбинацией. В § 4 приводятся результаты численных экспериментов. В последнем параграфе обсуждаются основные результаты работы.

## 1. Постановка задачи и анализ ее сложности

Рассмотрим предприятие, выпускающее  $k$  различных продуктов. Требуемый объем производства продукта  $i$ ,  $i = 1, \dots, k$  обозначим через  $V_i \in \mathbb{R}^+$ . Здесь и далее  $\mathbb{R}^+$  – множество положительных вещественных чисел. Пусть  $m$  – число машин, которые могут

использоваться при выпуске продукции.

Для каждого продукта  $i$ ,  $i = 1, \dots, k$ , указана одна или более технологий его производства. Пусть  $U$  – множество технологий, где  $|U| = d$ , каждая из которых характеризуется набором одновременно занимаемых машин  $M_u \subseteq \{1, \dots, m\}$ ,  $u \in U$ , т. е. если производится продукт  $i$  по технологии  $u$ , то одновременно задействованы все машины, относящиеся к данной технологии. В любой момент каждая машина не может быть задействована более чем в одной технологии.

Пусть  $U_i \subseteq U$  – множество технологий по производству продукта  $i$ ,  $i = 1, \dots, k$ , для каждой из которых задан объем  $a_u \in \mathbb{R}^+$  выпуска данного продукта в единицу времени,  $u \in U_i$ . Предполагается, что для выпуска продукта  $i$  может быть использовано несколько технологий из множества  $U_i$ ,  $i = 1, \dots, k$ .

Для машины  $l$  заданы длительности переналадки этой машины с технологией  $u$  на технологию  $q$ , обозначенные через  $s_{luq} \in \mathbb{R}_+$  (здесь  $\mathbb{R}_+$  – множество неотрицательных вещественных чисел), для всех  $u, q \in K_l$ , где  $K_l = \{u \in U : l \in M_u\}$  – множество технологий, использующих машину  $l$ ,  $l = 1, \dots, m$ .

Для каждого продукта  $i$ ,  $i = 1, \dots, k$ , необходимо определить, какие технологии  $u \in U_i$  будут использоваться для его производства, и для выбранных технологий составить расписание их выполнения с учетом переналадок машин и невозможности одновременного использования одной машины в различных технологиях таким образом, чтобы общее время окончания производства всех продуктов  $C_{\max}$  в объемах  $V_1, \dots, V_k$  было минимально. Задача рассматривается в двух вариантах: с возможностью прерываний выполнения технологий ( $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, s_{luq}|C_{\max}$ ) и без нее ( $P|\text{set}_i, s_{luq}|C_{\max}$ ).

На практике достаточно часто встречаются задачи составления производственных расписаний, где длительности переналадки удовлетворяют неравенству треугольника:

$$s_{luq} + s_{lqp} \geq s_{lup}, \quad l = 1, \dots, m, \quad u, q, p \in K_l. \quad (1)$$

Обозначим этот частный случай через  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , если допускается прерывание выполнения технологий, и  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , если не допускается. Указанные задачи являются NP-трудными в сильном смысле, так как в частном случае при  $m = 1$  к ним сводится метрическая задача о кратчайшем гамильтоновом пути, являющаяся NP-трудной в сильном смысле [21].

**Труднорешаемость задач при нулевых длительностях переналадки.** В [19, 22] показано, что при нулевых длительностях переналадки исследуемые задачи являются труднорешаемыми. Эти результаты получены с использованием задач о минимальной вершинной раскраске графа и минимальной дробной вершинной раскраске графа. Обе задачи задаются графом  $G = (V, E)$ , где  $V = \{v_1, \dots, v_{|V|}\}$  – множество вершин, а  $E = \{e_1, \dots, e_{|E|}\}$  – множество ребер. В первой задаче требуется найти хроматическое число  $\chi(G)$  графа  $G$ , а во второй – дробное хроматическое число  $\chi^*(G)$  графа  $G$ , т. е. минимальное значение  $\lambda_1 + \dots + \lambda_z$ , где  $z \in \mathbb{Z}^+$  (здесь  $\mathbb{Z}^+$  – множество положительных целых чисел),  $\lambda_j \in \mathbb{R}^+$  для всех  $j = 1, \dots, z$ , такое, что найдется набор  $\mathcal{W} = \{W_1, \dots, W_z\}$  независимых множеств вершин графа  $G$ , для которого имеют место неравенства

$$\sum_{W_j \in \mathcal{W}: v \in W_j} \lambda_j \geq 1, \quad v \in V.$$

Задачи о минимальной вершинной раскраске и минимальной дробной вершинной раскраске графа являются NP-трудными в сильном смысле [3, 22], и если справедлива известная гипотеза о не включении классов  $\text{NP} \not\subseteq \text{ZPP}$  [25], то при любом  $\varepsilon > 0$  для них не существует полиномиальных приближенных алгоритмов с точностью аппроксимации  $|V|^{1-\varepsilon}$  [15, 22].

Задача о минимальной вершинной раскраске графа сводится как частный случай к задаче  $P|\text{set}_i, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  [19], если положить  $k = |V|$ ,  $m = |E|$ ,  $V_i = |U_i| = 1$ ,  $i = 1, \dots, k$ , производительность  $a_u = 1$ ,  $u \in U_i$ ,  $i = 1, \dots, k$ ; ребру  $e_l$  графа  $G$ ,  $l = 1, \dots, m$ , поставить в соответствие машину  $l$ , а вершине  $v_i \in V$ ,  $i = 1, \dots, k$ , – продукт  $i$  и набор одновременно занимаемых машин  $M_{u_i} = \{l : v_i \in e_l, l = 1, \dots, m\}$ , где  $u_i$  такое, что  $U_i = \{u_i\}$ . Аналогичным образом задача о минимальной дробной вершинной раскраске графа сводится как частный случай к задаче  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  [22]. Таким образом, из результатов [15, 19, 22] непосредственно следует

**Утверждение 1.** Задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  даже в частном случае, когда для всякого продукта имеется только одна технология его производства, а каждая машина пригодна для работы только по двум технологиям, являются NP-трудными в сильном смысле, и если справедлива гипотеза  $\text{NP} \not\subseteq \text{ZPP}$ , то при любом  $\varepsilon > 0$  для их решения не существует полиномиального приближенного алгоритма с точностью аппроксимации  $k^{1-\varepsilon}$ .

Покажем, что в случае, когда требуется выпустить только один продукт, но с использованием произвольного числа технологий, задачи также являются труднорешаемыми.

**Утверждение 2.** 1. Задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  являются NP-трудными в сильном смысле даже в частном случае, когда требуется произвести один продукт с использованием технологий одинаковой производительности, задействующих при своем выполнении не более трех машин.

2. Если справедлива гипотеза  $\text{NP} \not\subseteq \text{ZPP}$ , то для любого  $\varepsilon > 0$  не существует полиномиального приближенного алгоритма с точностью аппроксимации  $d^{1-\varepsilon}$  для решения задач  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$ , даже если число продуктов  $k = 1$ .

**ДОКАЗАТЕЛЬСТВО.** 1. Покажем, что к рассматриваемым задачам сводится задача об упаковке множества: задано конечное множество  $\mathcal{X} = \{x_1, \dots, x_{|\mathcal{X}|}\}$  и набор  $\mathcal{S} = \{S_1, \dots, S_{|\mathcal{S}|}\}$  подмножеств множества  $\mathcal{X}$ , требуется найти семейство непересекающихся подмножеств из набора  $\mathcal{S}$  максимальной мощности  $\omega^*$ .

Построим индивидуальную задачу составления расписаний  $P|\text{set}_i, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$  ( $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \text{s}_{luq} = 0|C_{\max}$ ). Пусть число продуктов  $k$  равно 1, число машин  $m$  равно  $|\mathcal{X}|$ , множество технологий  $U = \{1, \dots, |\mathcal{S}|\}$ . Подмножеству  $S_u$ ,  $u = 1, \dots, |\mathcal{S}|$ , поставим в соответствие технологию  $u$  и набор одновременно занимаемых машин  $M_u = \{l : x_l \in S_u, l = 1, \dots, m\}$ . Положим требуемый объем  $V_1$  равным 1, и  $a_u = 1$ ,  $u \in U$ .

Заметим, что при сделанных предположениях достаточно рассматривать только те допустимые расписания, в которых на каждой машине выполняется не более одной технологии, причем без прерываний, и все задействованные машины работают равное

время. Действительно, в любом оптимальном расписании может быть найден момент времени, когда число одновременно выполняемых технологий максимально. Рассмотрим расписание, состоящее в одновременном использовании указанного набора технологий до момента выпуска продукта в требуемом объеме. Данное расписание также будет оптимальным.

Таким образом, существует взаимно однозначное соответствие между упаковками из  $\omega$  подмножеств,  $\omega = 1, 2, \dots, \omega^*$ , и допустимыми расписаниями указанного вида длины  $1/\omega$ . Тогда из NP-трудности в сильном смысле [3] задачи об упаковке множества, даже при  $|S_u| \leq 3$ ,  $u = 1, \dots, |\mathcal{S}|$ , следует первая часть утверждения.

2. Если справедлива гипотеза  $\text{NP} \not\subseteq \text{ZPP}$ , то, как следует из результата [17], для любого  $\varepsilon > 0$  не существует полиномиального приближенного алгоритма решения задачи об упаковке множества с точностью аппроксимации  $|\mathcal{S}|^{1-\varepsilon}$ . Тогда из приведенной сводимости следует требуемое. Утверждение 2 доказано.

Другие NP-трудные частные случаи задач  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, s_{luq} = 0|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, s_{luq} = 0|C_{\max}$  могут быть найдены в работах [11, 19, 22, 23].

**Модель частично целочисленного линейного программирования.** Учитывая структуру рассматриваемой задачи, можно предложить модель частично целочисленного линейного программирования, основанную на тех же принципах, что и в [1, 16, 20].

Перед описанием модели определим понятие точки событий, аналогичное введенному в [20]. *Точка событий* – это группа переменных задачи, задающих некоторый набор технологий и моменты начала и окончания выполнения технологий из этого набора. В одной точке событий каждая машина может быть задействована не более чем в одной технологии. Множество точек событий обозначим через  $N = \{1, \dots, n_{\max}\}$ , где параметр  $n_{\max}$  выбирается достаточно большим на основе априорных оценок или вычислительных экспериментов.

Основными переменными для построения модели будут бинарные переменные  $w_{un}$  такие, что  $w_{un} = 1$ , если технология  $u$  выполняется в точке событий  $n$ , и  $w_{un} = 0$  иначе. Кроме того, введем вещественные переменные, которые в случае, если технология  $u$  выполняется в точке событий  $n$ , имеют следующий смысл:  $T_{un}^s$  – время начала выполнения технологии  $u$  в точке событий  $n$ ,  $T_{un}^f$  – время завершения выполнения технологии  $u$  в точке событий  $n$ . Переменная  $C_{\max}$  соответствует моменту завершения производства всех продуктов.

Введем следующие обозначения:

$I$  – множество продуктов,  $|I| = k$ ;

$M$  – множество машин,  $|M| = m$ ;

$H = \sum_{i \in I} \max_{u \in U_i} \left\{ \frac{V_i}{a_u} \right\} + (k-1) \cdot \max_{l \in M, u, q \in K_l} \{s_{luq}\}$  – оценка сверху длины расписания. Времени  $H$  заранее достаточно для производства всех продуктов.

Тогда модель частично целочисленного линейного программирования для задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  может быть записана следующим образом:

$$C_{\max} \rightarrow \min, \quad (2)$$

$$T_{un}^f \leq C_{\max}, \quad u \in U, \quad n \in N, \quad (3)$$

$$\sum_{u \in K_l} w_{un} \leq 1, \quad l \in M, \quad n \in N, \quad (4)$$

$$T_{u,n+1}^s \geq T_{un}^f, \quad u \in U, \quad n \in N, \quad n \neq n_{\max}, \quad (5)$$

$$T_{u,n+1}^s \geq T_{qn}^f + s_{lqu} \cdot w_{u,n+1} - H \cdot (1 - w_{u,n+1}), \quad (6)$$

$$l \in M, \quad u, q \in K_l, \quad u \neq q, \quad n \in N, \quad n \neq n_{\max},$$

$$T_{un}^s \geq -H \cdot (1 - w_{un}), \quad u \in U, \quad n \in N, \quad (7)$$

$$T_{un}^f \geq T_{un}^s, \quad u \in U, \quad n \in N, \quad (8)$$

$$T_{un}^f - T_{un}^s \leq w_{un} \cdot \max_{q \in U_i} \left\{ \frac{V_i}{a_q} \right\}, \quad i \in I, \quad u \in U_i, \quad n \in N, \quad (9)$$

$$\sum_{n \in N} \sum_{u \in U_i} a_u \cdot (T_{un}^f - T_{un}^s) \geq V_i, \quad i \in I, \quad (10)$$

$$w_{un} \in \{0, 1\}, \quad u \in U, \quad n \in N. \quad (11)$$

Целевая функция (2) и неравенство (3) задают критерий минимизации момента окончания производства всех продуктов. Ограничение (4) выражает тот факт, что в каждой точке событий машина  $l$  используется не более чем в одной технологии, ограничение (5) – что время начала выполнения технологии  $u$  в точке событий  $n+1$  должно быть не меньше, чем время окончания ее выполнения в точке событий  $n$ . Ограничение (6) говорит о том, что время начала технологии  $u$  на машине  $l$  должно быть не меньше, чем время окончания предыдущей технологии на той же машине плюс длительность переналадки. Однако, если технология  $u$  является первой на машине  $l$ , то длительность переналадки на нее учитывать не нужно. Это обеспечивается благодаря тому, что переменные  $T_{qn}^s$  во всех предшествующих точках событий могут принимать отрицательные значения. Если же технология  $u$  имеет место в точке событий  $n$ , т. е.  $w_{un} = 1$ , то время начала ее использования должно быть неотрицательным, что обеспечивается условием (7). Условие (8) гарантирует неотрицательность длительности технологий. Если технология  $u$  в точке событий  $n$  не выполняется, т. е.  $w_{un} = 0$ , то ее длительность должна быть равна нулю, что обеспечивается условием (9). Ограничение (10) гарантирует выпуск продукции в заданном объеме.

Необходимо отметить, что условие (6) будет гарантировать получение оптимального решения задачи  $P|set_i, pmt_n, s_{luq}|C_{\max}$ , только если длительности переналадки удовлетворяют неравенству треугольника.

Модель частично целочисленного линейного программирования для задачи  $P|set_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  может быть получена путем добавления к ограничениям (2) – (11) неравенства

$$\sum_{n \in N} w_{un} \leq 1, \quad u \in U, \quad (12)$$

гарантирующего непрерывность выполнения каждой технологии.

В [6] нами предложена модель частично целочисленного линейного программирования для случая произвольных длительностей переналадки и возможности прерываний выполнения технологий. Однако результаты вычислительного

эксперимента [6] показали, что при решении задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  предпочтительнее использовать модель (2) – (11). Это свойство имеет место и для задачи  $P|\text{set}_i, s_{luq}|C_{\max}$ , поскольку модель данной задачи может быть получена добавлением к модели из [6] неравенства (12).

**Полиномиально разрешимые частные случаи.** В модели (2) – (12) для получения оптимального решения задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  достаточно положить  $n_{\max} = d$ , поскольку прерывание выполнения технологий не допускается. Обозначим через  $\mathcal{P}_{LP}$  задачу линейного программирования, получаемую в результате фиксации значений всех булевых переменных ( $w_{un}$ ) в модели (2) – (12). Задача  $\mathcal{P}_{LP}$  при  $n_{\max} = d$  имеет полиномиально ограниченное число переменных и, следовательно, является полиномиально разрешимой (см., например, [9]). Пусть  $\tau_{LP}$  – оценка сверху временной сложности алгоритма решения задачи  $\mathcal{P}_{LP}$ .

Задачу  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , в которой число технологий ограничено константой, обозначим через  $Pd|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Данная задача может быть сведена к решению  $(n_{\max} + 1)^d$  задач  $\mathcal{P}_{LP}$ , где  $n_{\max} = d$ . Следовательно, имеет место

**Утверждение 3.** Задача  $Pd|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  является полиномиально разрешимой за время  $O(\tau_{LP} \cdot d^d)$ .

В модели (2) – (11) достаточно положить  $n_{\max} = d^m$  для получения оптимального решения задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Действительно, количество различных наборов технологий, которые могут выполняться одновременно, не превосходит  $\prod_{l=1}^m f_l \leq d^m$ , где  $f_l = |K_l| + 1$ , если  $|K_l| < d$ , и  $f_l = d$  в противном случае. Кроме того, для задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  найдется оптимальное расписание, использующее каждый такой набор не более одного раза, поскольку ввиду неравенства (1) в данном случае применим перестановочный прием (см., например, [8]).

Обозначим через  $\mathcal{P}'_{LP}$  задачу линейного программирования, получаемую в результате фиксации значений всех булевых переменных ( $w_{un}$ ) в модели (2) – (11). Задача  $\mathcal{P}'_{LP}$  при  $n_{\max} = d^m$  и числе машин, ограниченном константой, является полиномиально разрешимой. Пусть  $\tau'_{LP}$  – оценка сверху временной сложности алгоритма решения задачи  $\mathcal{P}'_{LP}$ . Задачу  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , в которой число машин и продуктов ограничено константой, обозначим через  $Pmk|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Данная задача может быть сведена к решению  $2^{dn_{\max}}$  задач  $\mathcal{P}'_{LP}$ , где  $n_{\max} = d^m$ . Поскольку общее число технологий  $d$  не превосходит  $k(2^m - 1)$ , имеет место

**Утверждение 4.** Задача  $Pmk|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  является полиномиально разрешимой за время  $O(\tau'_{LP} \cdot 2^{(k(2^m - 1))^{m+1}})$ .

Различные полиномиально разрешимые частные случаи задач  $P|\text{set}_i, s_{luq} = 0|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, s_{luq} = 0|C_{\max}$  можно найти в [10, 19, 22, 23].

## 2. Генетический алгоритм с равномерным кроссинговером

Ввиду утверждений 1 и 2, эффективный поиск приближенного решения исследуемых задач с какой-либо практически приемлемой гарантированной оценкой точности не представляется возможным, поэтому имеет смысл разработка метаэвристик, в частности, генетических алгоритмов (ГА). В этом разделе предлагается ГА для задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Поскольку всякое допустимое ее решение является допустимым решением задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , данный алгоритм может быть также применен к задаче  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ .

ГА является алгоритмом случайного поиска, в котором моделируется процесс развития популяции особей [18]. Каждая особь соответствует некоторому решению задачи (фенотипу), которое представлено в алгоритме как некоторая строка символов (генотип). Под значением целевой функции генотипа будем понимать значение целевой функции фенотипа, ему соответствующего. При этом в случае задачи минимизации чем меньше значение целевой функции генотипа, тем больше он имеет шансов быть выбранным в качестве родительского для построения новых особей. Особи-потомки строятся на основе имеющихся особей путем применения вероятностных операторов кроссинговера (рекомбинации) и мутации.

Обозначим через  $\Pi^t = (\zeta^{1,t}, \dots, \zeta^{r,t})$  популяцию поколения  $t$ ,  $t = 0, 1, 2, \dots$ , в ГА, где  $r$  – численность популяции, которая является фиксированной от начала работы алгоритма и до конца. ГА со стационарной схемой воспроизведения выглядит следующим образом [26].

### ГА со стационарной схемой воспроизведения

ШАГ 0. Положить  $t := 0$ .

ШАГ 1. Случайным образом построить начальную популяцию  $\Pi^0$ .

ШАГ 2. Пока не выполнен критерий остановки, выполнять:

2.1. Выбрать из популяции  $\Pi^t$  два родительских генотипа  $p^1, p^2$ .

2.2. Применить к  $p^1$  и  $p^2$  оператор *мутации*.

2.3. Построить двух потомков  $c^1$  и  $c^2$ , применяя оператор *кроссинговера*.

2.4. Удалить из популяции  $\Pi^t$  два генотипа, выбранных с равномерным распределением среди имеющихся значение целевой функции выше среднего в популяции  $\Pi^t$ , и поместить на их место  $c^1$  и  $c^2$ . Положить  $\Pi^{t+1} := \Pi^t$ .

2.5. Положить  $t := t + 1$ .

ШАГ 3. Результатом работы алгоритма является фенотип лучшего из найденных генотипов.

Предлагаемый ГА со стационарной схемой воспроизведения для решения задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  основывается на решении серии подзадач пониженной размерности в соответствии с моделью (2) – (12). Определим схему представления решений, операторы селекции, кроссинговера и мутации.

**Схема представления решений.** Перенумеруем элементы из множества технологий  $U_i$  производства продукта  $i$ ,  $i = 1, \dots, k$ , обозначая через  $u_i(j)$  элемент с

номером  $j$  из множества  $U_i$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ , т. е.  $\bigcup_{j=1}^{|U_i|} \{u_i(j)\} = U_i$ .

Решение задачи  $P|\text{set}_i$ ,  $\Delta s_{luq}|C_{\max}$  будем представлять генотипом  $\zeta$ , состоящим из двух подстрок: подстроки назначений  $\xi$  и подстроки порядка  $\eta$ , а именно,  $\zeta = (\xi, \eta) \in \Omega$ , где  $\Omega = B \times C$ ,  $B = \{0, 1\}^d$ ,  $C = \mathbb{Z}_+^d$ . Здесь и далее  $\mathbb{Z}_+$  обозначает множество неотрицательных целых чисел.

Подстрока назначений  $\xi = (\xi_{11}, \dots, \xi_{1|U_1|}, \dots, \xi_{k1}, \dots, \xi_{k|U_k|}) \in \{0, 1\}^d$  определяет технологии, участвующие в производстве продуктов:

$$\xi_{ij} = \begin{cases} 1, & \text{если технология } u_i(j) \text{ производства продукта } i \text{ используется,} \\ 0 & \text{в противном случае.} \end{cases}$$

Подстрока порядка  $\eta = (\eta_{11}, \dots, \eta_{1|U_1|}, \dots, \eta_{k1}, \dots, \eta_{k|U_k|}) \in \mathbb{Z}_+^d$  определяет порядок выполнения технологий:

$$\eta_{ij} = \begin{cases} \text{номеру точки событий для технологии } u_i(j), & \text{если } \xi_{ij} = 1, \\ 0 & \text{в противном случае.} \end{cases}$$

Назначение генов  $\xi_{ij}$  и  $\eta_{ij}$ , где  $i = 1, \dots, k$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ , однозначно определяет значения булевых переменных ( $w_{un}$ ) в модели (2) – (12), а именно,

$$w_{u_i(j),n} = \begin{cases} 1, & \text{если } \eta_{ij} = n, \\ 0, & \text{если } \eta_{ij} = 0, \end{cases} \quad n = 1, \dots, n_{\max}, \quad i = 1, \dots, k, \quad j = 1, \dots, |U_i|. \quad (13)$$

Значения вещественных переменных и целевой функции  $C_{\max}$  можно найти с помощью решения задачи линейного программирования  $\mathcal{P}_{LP}$ . Таким образом, схема представления решений полностью определена.

**Построение начальной популяции.** При построении особи начальной популяции сначала строится подстрока назначений  $\xi$ , по которой с помощью специальной процедуры, строится подстрока порядка  $\eta$ . Построение  $\xi$  происходит по следующей схеме: для каждого продукта, независимо от остальных, случайным образом с равномерным распределением выбирается одна из технологий, пригодных для его производства. Был опробован также вариант, в котором число технологий для производства каждого продукта  $i \in I$  выбирается с равномерным распределением от 1 до  $|U_i|$ . Однако экспериментальное сравнение показало, что ГА показывает лучшие результаты при выборе одной технологии для каждого продукта при построении особей популяции  $\Pi^0$ .

Для того чтобы по подстроке назначений  $\xi$  сформировать подстроку порядка  $\eta$ , каждой технологии  $u_i(j)$ , для которой  $\xi_{ij} = 1$ ,  $i = 1, \dots, k$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ , поставим в соответствие отдельную точку событий. Далее определим порядок следования технологий. Для этого построим вспомогательный полный ориентированный граф  $G = (U', A)$  с множествами вершин  $U' = \{1, \dots, d'\}$  и дуг  $A$ , где  $d' = \sum_{i=1}^k \sum_{j=1}^{|U_i|} \xi_{ij}$ . Вершины графа соответствуют выбранным технологиям, а длина дуги равна максимальной длительности переналадки машин между соответствующими технологиями. Далее для этого графа решаем задачу о кратчайшем гамильтоновом

пути, например, с помощью эвристики «присоединение к пути». Для описания данной эвристики введем следующие обозначения:

$\alpha_{jj'} -$  длина дуги из  $j$  в  $j'$  при  $j \neq j'$ ,  $\alpha_{jj} = +\infty$ ,  $j = 1, \dots, d'$ ;

$\pi = (\pi_1, \dots, \pi_{d'})$  – перестановка, определяющая порядок следования вершин, а именно,  $\pi_j$  – номер  $j$ -й вершины в гамильтоновом пути в графе  $G$ ;

$\pi^\tau = (\pi_1, \dots, \pi_\tau)$  – перестановка, сформированная на шаге  $\tau$ ,  $\tau = 1, \dots, d'$ ;

$S(\pi)$  – суммарная длина пути, определяемого перестановкой  $\pi$ .

#### АЛГОРИТМ «ПРИСОЕДИНЕНИЕ К ПУТИ»

ШАГ 1. Положить  $\pi_1 := j$ , где  $j \in \{1, \dots, d'\}$  такое, что  $\min_{j' \neq j} \alpha_{j'j}$  максимален.

Положить  $U' := U' \setminus \{\pi_1\}$  и перейти на шаг 2.

ШАГ  $\tau$  ( $\tau = 2, \dots, d'$ ). Для каждой вершины  $v \in U'$  вычислить значение  $S_v = \min_{j=2, \dots, \tau} S(\pi_1, \dots, \pi_{j-1}, v, \pi_{j+1}, \dots, \pi_{\tau-1})$ . Позицию  $j$ , на которой достигается минимум

$S_v$ , обозначить через  $j_v$ . Вершину  $v \in U'$ , имеющую минимальное значение  $S_v$ , вставить в позицию  $j_v$  в перестановку  $\pi^{\tau-1}$  со сдвигом вправо содержимого позиций  $j_v, \dots, \tau-1$ , и положить  $U' := U' \setminus \{v\}$ . Если  $\tau < d'$ , то перейти на шаг  $\tau + 1$ , иначе  $\pi^* := \pi^{d'}$ .

Для задачи  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  может не существовать оптимального решения, в котором каждая технология используется не более одного раза, так как дробное хроматическое число может не совпадать с хроматическим числом графа (см. пример в [22]). Поэтому не гарантируется существование генотипа, представляющего оптимальное решение этой задачи. Однако для задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , представленной моделью (2) – (12), в любом оптимальном расписании выполнение какой-либо технологии может быть предписано не более чем в одной точке событий, и, кроме того, имеет место

**Утверждение 5.** Для задачи (2) – (12) найдется оптимальное решение, в котором различным технологиям соответствуют различные точки событий.

Таким образом, всегда существует генотип, представляющий оптимальное решение задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ .

Отметим, что при построении подстроки порядка  $\eta$  по подстроке назначений  $\xi$  можно предусмотреть процедуру, объединяющую в одной точке события несколько технологий. Опишем один из возможных способов объединения технологий по точкам событий. Построим вспомогательный неориентированный граф  $G' = (V', E)$ , где  $V'$  – множество вершин,  $E$  – множество ребер. Вершины данного графа соответствуют тем технологиям  $u_i(j)$ , для которых  $\xi_{ij} = 1$ ,  $i = 1, \dots, k$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ , а наличие ребра между вершинами указывает на то, что соответствующие технологии не могут выполняться в одной точке событий, поскольку используют хотя бы одну общую машину. Далее для построенного графа решаем задачу о минимальной вершинной раскраске графа с помощью градиентного алгоритма [4]. Допустимое решение представленной задачи о минимальной вершинной раскраске графа определяет для каждой технологии точку событий, в которой она будет выполняться: технологии, соответствующие вершинам, раскрашенным в один цвет, выполняются в одной точке событий.

Порядок следования технологий может быть определен с помощью эвристики «присоединение к пути» в графе, где вершины соответствуют множествам технологий

с общей точкой событий, а длина дуги равна максимальной длительности переналадки машин между соответствующими технологиями.

Данная модификация не гарантирует существование генотипа, представляющего оптимальное решение задачи  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , но позволяет сократить количество используемых точек событий, а следовательно, уменьшить размерность подзадачи линейного программирования  $\mathcal{P}_{LP}$ .

**Оператор селекции.** В качестве оператора селекции будем использовать  $s$ -турнирную селекцию: из популяции  $\Pi^t$  независимо извлекается  $s$  особей с равномерным распределением и из них выбирается лучшая по целевой функции.

**Оператор мутации.** Оператор мутации вносит в генотип некоторые случайные изменения [7]. Данный оператор применяется как к подстроке назначений  $\xi$ , так и к подстроке порядка  $\eta$ . Мутация для подстроки  $\eta$ : с вероятностью  $P_\eta$  случайным образом выбираем две точки событий и меняем их содержимое местами, иначе (с вероятностью  $1 - P_\eta$ ) под строка  $\eta$  остается без изменений.

Мутация для подстроки  $\xi$  происходит следующим образом. Для каждого продукта  $i \in I$ , независимо от всех остальных, с вероятностью  $P_\xi$  выполняем:

- если  $\sum_{j=1}^{|U_i|} \xi_{ij} > 1$ , то выбираем с равномерным распределением один из генов  $\xi_{i1}, \xi_{i2}, \dots, \xi_{i|U_i|}$  и инвертируем его значение;
- если  $\sum_{j=1}^{|U_i|} \xi_{ij} = 1$ , то выбираем с равномерным распределением один из генов  $\xi_{i1}, \xi_{i2}, \dots, \xi_{i|U_i|}$ , имеющих значение 0, и заменяем его на 1.

Иначе (с вероятностью  $1 - P_\xi$ ) множество генов  $\xi_{ij}$ , где  $j \in \{1, \dots, |U_i|\}$ , остается без изменений.

Если в результате мутации под строка назначений изменяется, то соответствующая ей под строка порядка строится так же, как и при построении особей начальной популяции.

**Оператор кроссинговера.** Под действием оператора кроссинговера две родительские особи обмениваются своими признаками, порождая одного или двух потомков [7]. В настоящей статье предлагается два варианта оператора кроссинговера: равномерный кроссинговер и оптимальная рекомбинация (см. § 3).

Оператором равномерного кроссинговера строится пара потомков. При этом сначала формируется под строка назначений для каждого из них, а соответствующая под строка порядка определяется так же, как и при построении особей начальной популяции. С заданной вероятностью  $P_c$  равномерный кроссинговер выполняет следующее преобразование под строк  $\xi^1$  и  $\xi^2$ . Для каждого продукта, независимо от остальных, используем набор технологий его производства от одного из родителей, при этом выбор родителей равновероятен. Иначе (с вероятностью  $1 - P_c$ ) под строки назначений в генотипах потомков полагаются равными  $\xi^1$  и  $\xi^2$ .

Очевидно, что операторы построения начальной популяции, кроссинговера и мутации генерируют только генотипы, представляющие допустимые решения

задачи  $P| \text{set}_i, \Delta s_{luq} | C_{\max}$ .

Заметим, что предложенный алгоритм может быть применен к задаче  $P| \text{set}_i, s_{luq} | C_{\max}$  без предположения о выполнении неравенства треугольника (1). При этом вместо модели (2) – (12) используется модель из [6] совместно с неравенством (12).

**Сходимость алгоритма.** Исследуем сходимость ГА с равномерным кроссинговером к оптимуму. Для этого воспользуемся теоремой о сходимости эволюционных алгоритмов (ЭА). Приведем описание общего вида операторов ЭА и схемы ЭА.

Рассмотрим задачу минимизации: найти  $f^* = \min\{f(x) : x \in X\}$ , где  $X$  – конечное пространство решений. Обозначим популяцию поколения  $t$ ,  $t = 0, 1, 2, \dots$ , в ЭА через  $\Pi^t = (x^{1,t}, x^{2,t}, \dots, x^{r,t}) \in X^r$ , и пусть  $\hat{\Pi} = \bigcup_{j=1}^{\tilde{r}} \{x^j\}$  для любой популяции  $\Pi = (x^1, \dots, x^{\tilde{r}})$ .

Каждая новая популяция  $\Pi^{t+1}$  строится на основании текущей популяции  $\Pi^t$  с помощью следующих вероятностных операторов. Здесь под вероятностным оператором будем понимать рандомизированную процедуру [5], результат которой представляет собой случайную величину, зависящую только от аргумента процедуры и исходных данных задачи.

Оператором *отбора*  $\delta : X^r \rightarrow X^{r'}$  извлекаются  $r'$  копий родительских решений из текущей популяции. Если  $\Pi' = \delta(\Pi^t)$ , то  $\Pi' \subseteq \hat{\Pi}^t$ .

Оператор *воспроизведения*  $\rho : X^{r'} \rightarrow X^{r''}$  вносит некоторые случайные изменения в родительские решения, создавая при этом  $r''$  решений-потомков, составляющих популяцию  $\Pi''$ .

Оператором *выживания*  $\sigma : X^r \times X^{r''} \rightarrow X^r$  определяются решения из  $\Pi^t$  и их потомки из  $\Pi''$ , которые составят популяцию  $\Pi^{t+1}$ , т. е.  $\hat{\sigma}(\Pi^t, \Pi'') \subseteq \hat{\Pi}^t \cup \hat{\Pi}''$ .

Работа ЭА начинается со случайной популяции  $\Pi^0$  и продолжается итерациями композиции  $\Pi^{t+1} = \sigma(\rho(\delta(\Pi^t)), \Pi^t)$ .

Будем говорить, что ЭА *сходится к оптимуму почти наверное* при  $t \rightarrow \infty$ , если  $\min_{j=1,\dots,r} f(x^{j,t}) \xrightarrow{t \rightarrow \infty} f^*$  с вероятностью 1. Следующая теорема задает достаточные условия сходимости ЭА к оптимуму почти наверное (доказывается аналогично теореме 2.1 в [27]).

**Теорема 1.** Пусть операторы ЭА обладают следующими свойствами: существует величина  $\varepsilon > 0$  такая, что

- (B<sub>1</sub>)  $P\{x \in \hat{\delta}(\Pi)\} > \varepsilon$  при любых  $\Pi \in X^r$ ,  $x \in \hat{\Pi}$ ;
- (B<sub>2</sub>)  $P\{x \in \hat{\sigma}(\Pi, \Pi'')\} > \varepsilon$  при любых  $\Pi \in X^r$ ,  $\Pi'' \in X^{r''}$ ,  $x \in \hat{\Pi}''$ ;
- (B<sub>3</sub>) для любого  $x \in X$  найдется последовательность решений  $y_1, y_2, \dots, y_\lambda$  такая, что  $y_1 = x$ ,  $f(y_\lambda) = f^*$ , и при всех  $j = 1, \dots, \lambda - 1$ , если  $y_j \in \hat{\Pi}'$ , то  $P\{y_{j+1} \in \hat{\rho}(\Pi')\} > \varepsilon$ ;
- (B<sub>4</sub>)  $\min\{f(x) : x \in \hat{\sigma}(\Pi, \Pi'')\} = \min\{f(x) : x \in \hat{\Pi} \cup \hat{\Pi}''\}$  при любых  $\Pi \in X^r$ ,  $\Pi'' \in X^{r''}$ .

Тогда ЭА сходится к оптимуму почти наверное при  $t \rightarrow \infty$ .

**Теорема 2.** Если  $0 < P_\xi < 1$ ,  $0 < P_\eta \leq 1$ ,  $0 \leq P_c < 1$ , то при решении задачи  $P| \text{set}_i, \Delta s_{luq} | C_{\max}$  ГА с равномерным кроссинговером сходится к оптимуму почти наверное при  $t \rightarrow \infty$ .

**ДОКАЗАТЕЛЬСТВО.** Определим вид операторов ЭА в исследуемом ГА и свойства, которыми они обладают.

1. При действии оператора отбора  $\delta(\Pi^t)$  выбираются родительские особи  $p^1$ ,  $p^2$  с помощью  $s$ -турнирной селекции. Ясно, что для данного оператора выполнено свойство  $(\mathcal{B}_1)$ .

2. Оператор воспроизведения  $\rho(\Pi') = (c^1, c^2)$  состоит в последовательном применении мутации и равномерного кроссинговера к родительским особям  $p^1$ ,  $p^2$ . Докажем, что для данного оператора выполнено свойство  $(\mathcal{B}_3)$ . Ввиду утверждения 5 оптимальное решение всегда представимо с помощью некоторого генотипа  $\zeta^* = (\xi^*, \eta^*)$ . Покажем, что для любого генотипа  $\zeta = (\xi, \eta)$  существует положительная вероятность перехода из  $\zeta$  в  $\zeta^*$  за конечное число шагов. Так как  $0 < P_\xi < 1$ ,  $0 \leq P_c < 1$ , перейти от генотипа  $\zeta = (\xi, \eta)$  к  $\tilde{\zeta} = (\tilde{\xi}, \tilde{\eta})$ , где  $\tilde{\xi} = \xi^*$ , можно за конечное число шагов с положительной вероятностью при мутациях только в подстроке назначений. Далее, так как  $0 < P_\eta \leq 1$ , перейти от  $\tilde{\zeta}$  к  $\zeta^*$  можно за конечное число шагов с положительной вероятностью при мутациях только в подстроке порядка ( $P_\xi < 1$ ,  $P_c < 1$ ).

3. Оператор выживания  $\sigma(\Pi^t, \Pi'')$  выбирает с равномерным распределением два генотипа среди имеющих значение целевой функции выше среднего в популяции  $\Pi^t$  и заменяет их на построенных оператором  $\rho(\Pi')$  потомков  $c^1$ ,  $c^2$ . Легко проверить, что для данного оператора выполнены свойства  $(\mathcal{B}_2)$  и  $(\mathcal{B}_4)$ .

Таким образом, исследуемый ГА сходится к оптимуму почти наверное по теореме 1. Теорема 2 доказана.

### 3. Генетический алгоритм с оптимальной рекомбинацией

Для решения задачи  $P|set_i$ ,  $\Delta s_{lrg}|C_{\max}$  может быть использован генетический алгоритм с оптимальной рекомбинацией [12], основывающийся на решении серии подзадач вида (2) – (12), в которых часть булевых переменных исходной задачи фиксирована.

Используя схему представления решений из § 2, сформулируем задачу оптимальной рекомбинации для  $P|set_i$ ,  $\Delta s_{lrg}|C_{\max}$ : для произвольных заданных родительских генотипов  $p^1 = (\xi^1, \eta^1)$ ,  $p^2 = (\xi^2, \eta^2)$ , представляющих допустимые решения, требуется построить представляющий допустимое решение генотип  $\zeta' = (\xi', \eta')$ , такой что:

- 1)  $\xi'_{ij} = \xi_{ij}^1$  или  $\xi'_{ij} = \xi_{ij}^2$  для всех  $i = 1, \dots, k$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ ;
- 2)  $\eta'_{ij} = \eta_{ij}^1$  или  $\eta'_{ij} = \eta_{ij}^2$  для всех  $i = 1, \dots, k$ ,  $j = 1, \dots, |U_i|$ ;

3)  $\zeta'$  имеет минимальное значение целевой функции среди всех генотипов, удовлетворяющих условиям 1) и 2).

В терминах модели (2) – (12), условия 1) и 2) соответствуют фиксации тех булевых переменных, которые совпадают при отображении родительских генотипов в пространство решений (2) – (12) согласно (13). Обозначим через  $\mathcal{P}_{\text{ЧЦЛП}}$  задачу оптимальной рекомбинации, записанную в виде (2) – (12) с фиксацией булевых переменных, совпадающих в родительских решениях. Для решения задачи  $\mathcal{P}_{\text{ЧЦЛП}}$  применяется метод ветвей и границ или некоторая его модификация.

При высокой вероятности мутации возникают вспомогательные подзадачи  $\mathcal{P}_{\text{ЧЦЛП}}$  большой размерности, тогда как при низкой вероятности мутации подзадачи  $\mathcal{P}_{\text{ЧЦЛП}}$  часто оказываются тривиальными. Для исключения тривиальных ситуаций и поддержания размерностей вспомогательных подзадач в границах, где методом ветвей и

границ оптимальное решение может быть получено за достаточно короткое время, нами использован следующий механизм адаптации [12]. Начальные значения вероятностей мутации полагаются заданными  $P_\xi^0 > 0$ ,  $P_\eta^0 > 0$ , а затем адаптируются в процессе работы алгоритма. Если за отведенное время  $T_{rec}$  методом ветвей и границ удается найти оптимальное решение подзадачи  $\mathcal{P}_{ЧЦЛП}$ , то  $P_\xi := 1.1 \cdot P_\xi^0$ ,  $P_\eta := 1.1 \cdot P_\eta^0$ . Если же оптимальное решение не найдено и  $P_\xi > P_\xi^0$ ,  $P_\eta > P_\eta^0$ , то  $P_\xi := P_\xi^0/2$ ,  $P_\eta := P_\eta^0/2$ .

Если за время  $T_{rec}$  удается найти допустимое решение вспомогательной подзадачи  $\mathcal{P}_{ЧЦЛП}$ , но полученный генотип совпадает с одним из уже имеющихся в текущей популяции, или допустимое решение не найдено, то в качестве результата оператора оптимальной рекомбинации используется генотип, полученный применением мутации к первой родительской особи.

Поскольку результатом оптимальной рекомбинации является один генотип, а не два, инструкции шагов 2.3 и 2.4 в ГА модифицируются соответствующим образом.

**Теорема 3.** *Если  $0 < P_\xi < 1$ ,  $0 < P_\eta \leq 1$  и  $T_{rec}$  достаточно велико, то при решении задачи  $P|set_i$ ,  $\Delta s_{luq}|C_{\max}$  ГА с оптимальной рекомбинацией сходится к оптимуму почти наверное при  $t \rightarrow \infty$ .*

**ДОКАЗАТЕЛЬСТВО.** Воспользуемся теоремой 1. Свойства  $(\mathcal{B}_1)$ ,  $(\mathcal{B}_2)$  и  $(\mathcal{B}_4)$  доказываются как в теореме 2.

Оператор воспроизведения  $\rho(\Pi')=c^1$  состоит в последовательном применении мутации и оптимальной рекомбинации к родительским особям  $p^1$ ,  $p^2$ . Докажем свойство  $(\mathcal{B}_3)$ .

Поскольку родительские особи  $p^1$ ,  $p^2$  выбираются независимо друг от друга, причем каждая особь из текущей популяции может быть выбрана в качестве родительской, то вероятность того, что произвольная особь из текущей популяции будет выбрана одновременно в качестве  $p^1$  и  $p^2$ , положительна. Вероятность того, что после независимого применения операторов мутации к  $p^1$  и  $p^2 = p^1$  будет получена одна и та же особь  $\tilde{c}^1$ , также положительна. Тогда результатом оптимальной рекомбинации будет генотип  $c^1 = \tilde{c}^1$ . Дальнейшие рассуждения аналогичны теореме 2. Теорема 3 доказана.

#### 4. Вычислительный эксперимент

Для оценки возможностей предложенных генетических алгоритмов и сравнения их с коммерческим пакетом решения задач частично целочисленного линейного программирования CPLEX 12.1 проведен вычислительный эксперимент на случайным образом сгенерированных задачах четырех серий  $S1$ ,  $S2$ ,  $S3$  и  $S4$ . Сравнение проводилось по качеству приближенного решения, найденного за отведенный промежуток времени.

Модели частично целочисленного линейного программирования для задач  $P|set_i$ ,  $\Delta s_{luq}|C_{\max}$  и  $P|set_i$ ,  $pmtn$ ,  $\Delta s_{luq}|C_{\max}$  были записаны в системе моделирования GAMS 23.2, и для решения этих задач применялся пакет CPLEX. При этом использовался метод ветвей и границ с отсечениями, настройки которого были выбраны по умолчанию, кроме параметра  $mipemphasis=4$ , устанавливающего приоритет на быстрый поиск приближенных решений. Генетические алгоритмы также реализованы

в GAMS 23.2. Тестирование проводилось на ЭВМ Intel Core 2 Duo CPU E7200 2.54 ГГц, оперативная память 2 Гб.

При генерации тестовых задач для каждой технологии  $u \in U$  число машин  $|M_u| \in \{1, \dots, m\}$  выбиралось случайно с равномерным распределением, а затем машины случайно назначались на данную технологию без повторений. Числовые значения для всех тестовых задач генерировались случайным образом с равномерным распределением из следующих множеств:  $|U_i| \in \{1, \dots, U_{\max}\}$ ;  $V_i \in [1, V_{\max}]$ ;  $a_u \in [1, \frac{V_i}{2}]$ , где  $i$  такое, что  $u \in U_i$ ;  $s_{luq} \in [0, s_{\max}]$ . В табл. 1 приведены выбранные значения параметров для каждой серии.

Для иллюстрации сложности полученных задач в табл. 2 представлены минимальная и максимальная размерности задач в каждой серии, записанных в модели (2) – (11). В модели (2) – (12) число ограничений увеличивается на величину  $d$ .

Таблица 1  
Параметры серий

серия	число задач	$k$	$m$	$U_{\max}$	$V_{\max}$	$s_{\max}$	$n_{\max}$
$S1$	30	8	10	5	50	10	6
$S2$	30	9	10	6	30	15	7
$S3$	30	12	10	8	25	20	7
$S4$	30	15	12	8	25	40	8

Таблица 2  
Минимальная и максимальная размерности задач в сериях

серия	ограничений		переменных			
			вещественных		булевых	
	min	max	min	max	min	max
$S1$	6980	10230	277	433	138	216
$S2$	13269	19333	491	715	245	357
$S3$	36572	47850	925	1289	462	644
$S4$	84323	108060	1279	1841	648	920

Опишем настройки ГА с равномерным кроссинговером ( $GA$ ) и ГА с оптимальной рекомбинацией ( $GA_{or}$ ).

Алгоритмы  $GA$  и  $GA_{or}$  запускались многократно в течение заданного промежутка времени согласно следующей схеме: пусть  $\theta$  – номер итерации, на которой получено улучшение рекордного значения целевой функции.  $GA$  ( $GA_{or}$ ) перезапускается, если за последующие  $\theta$  итераций не получено улучшения рекорда и число итераций превышает  $0.8 \cdot r$ .

Значения вещественных переменных и целевой функции находятся в алгоритме  $GA$  решением задачи линейного программирования  $\mathcal{P}_{ЛП}$  с помощью пакета CPLEX. Задача частично целочисленного линейного программирования  $\mathcal{P}_{ЧЦЛП}$ , возникающая при оптимальной рекомбинации в алгоритме  $GA_{or}$ , также решается с помощью

пакета CPLEX (с параметром  $tmphasis=1$ ). При этом устанавливается максимальное время  $T_{rec} = 3$  сек. Размер  $s$  турнира равен 5, размер  $r$  популяции – 50.

Поведение ГА существенно зависит от значений его параметров. Для определения значений вероятностей мутации  $P_\xi$ ,  $P_\eta$  и вероятности кроссинговера  $P_c$  в алгоритме  $GA$  проведен предварительный вычислительный эксперимент. В табл. 3 представлены выбранные величины. Начальные значения вероятностей мутации в алгоритме  $GA_{or}$  полагаются равными  $P_\xi^0 = 0.001$ ,  $P_\eta^0 = 0.001$ .

Для проведения вычислительного эксперимента установлено время работы алгоритмов, одно и то же для всех примеров: для серии  $S1$  – 900 сек.,  $S2$  – 1500 сек.,  $S3$  – 3600 сек. и  $S4$  – 5400 сек.

При описании результатов вычислительного эксперимента будут использоваться следующие обозначения:

$\Delta_{\max}$ ,  $\Delta_{\text{avr}}$  – максимальная и средняя относительные погрешности при сравнении с наилучшим известным из экспериментов значением целевой функции соответственно;

$NF$ ,  $NB$  – количество задач, для которых было получено допустимое решение и решение с наилучшим известным значением целевой функции соответственно.

Отметим, что при решении задач всех серий пакетом CPLEX за установленное время не удается доказать оптимальность полученного решения. Алгоритм  $GA$  ( $GA_{or}$ ), в котором предусмотрена процедура, объединяющая технологии по точкам событий, описанная в § 2, обозначим через  $GA^{gt}$  ( $GA_{or}^{gt}$ ).

Таблица 3

Значения вероятностей мутации и кроссинговера в  $GA$

серия	$P_\xi$	$P_\eta$	$P_c$
$S1$	0.15	0.15	0.75
$S2$	0.15	0.15	0.85
$S3$	0.05	0.1	0.85
$S4$	0.05	0.15	0.75

В табл. 4 и 5 представлены результаты работы алгоритмов. Здесь строка CPLEX (pmtn) соответствует результатам пакета CPLEX при решении задач по модели (2) – (11), когда допускается прерывание выполнения технологий, а строка CPLEX (nptmtn) – результатам пакета при решении задач по модели (2) – (12), когда прерывание выполнения технологий не допускается. Рассмотрим детально результаты, полученные для задачи  $P|set_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ .

Для выявления статистически значимых различий между выборками, состоящими из значений целевой функции, полученных исследуемыми алгоритмами, использовался тест Вилкоксона [2]. Далее под статистически значимыми различиями будем подразумевать значимые различия между выборками по данному тесту при уровне значимости 0.05.

Алгоритм  $GA_{or}^{gt}$  на всех сериях получает наилучшее известное нам значение целевой функции во всех задачах. Его преимущество над  $GA^{gt}$  и  $GA$  подтверждается статистически значимыми различиями на всех сериях, а над CPLEX – на всех сериях кроме  $S1$ . В то же время преимущество  $GA_{or}^{gt}$  над  $GA_{or}$  подтверждается статистически

Таблица 4

Результаты работы алгоритмов для серий  $S1, S2$ 

алгоритм	серия $S1$				серия $S2$			
	$\Delta_{\max}$	$\Delta_{\text{avr}}$	$NF$	$NB$	$\Delta_{\max}$	$\Delta_{\text{avr}}$	$NF$	$NB$
CPLEX (pmtn)	0.037	0.002	30	26	0.206	0.011	30	25
CPLEX (npmtn)	0.037	0.002	30	26	0.206	0.012	30	25
$GA^{gt}$	0.368	0.054	30	24	0.253	0.032	30	23
$GA_{or}^{gt}$	0	0	30	30	0	0	30	30
$GA$	0.548	0.064	30	22	0.353	0.077	30	20
$GA_{or}$	0.016	0.001	30	27	0.035	0.002	30	26

Таблица 5

Результаты работы алгоритмов для серий  $S3, S4$ 

алгоритм	серия $S3$				серия $S4$			
	$\Delta_{\max}$	$\Delta_{\text{avr}}$	$NF$	$NB$	$\Delta_{\max}$	$\Delta_{\text{avr}}$	$NF$	$NB$
CPLEX (pmtn)	0.104	0.014	30	22	0.283	0.029	29	22
CPLEX (npmtn)	0.104	0.016	30	22	0.294	0.032	29	22
$GA^{gt}$	0.149	0.026	30	20	0.205	0.036	30	20
$GA_{or}^{gt}$	0	0	30	30	0	0	30	30
$GA$	0.329	0.061	30	16	0.331	0.082	30	17
$GA_{or}$	0.071	0.005	30	26	0.073	0.01	30	24

значимыми различиями только на серии  $S4$ .

Алгоритм  $GA_{or}$ , как видно из табл. 4 и 5, показывает лучшие результаты, чем CPLEX, а также генетические алгоритмы  $GA^{gt}$  и  $GA$ , из чего можно сделать вывод о перспективности ГА с оптимальной рекомбинацией не только при использовании процедуры объединения технологий по точкам событий, но и без нее.

Результаты пакета CPLEX на всех сериях несколько лучше, чем у алгоритмов  $GA^{gt}$  и  $GA$ . Преимущество CPLEX над  $GA$  подтверждается статистически значимыми различиями на всех сериях кроме  $S4$ , а над  $GA^{gt}$  – только на серии  $S2$ .

На рис. 1 представлена частота получения наилучшего известного из экспериментов значения целевой функции для каждого из алгоритмов. Из рис. 1 и табл. 4, 5 видно, что  $GA_{or}^{gt}$  показывает устойчивое преимущество над остальными алгоритмами, которое становится значительнее с ростом размерности задач. Алгоритм  $GA_{or}$  дает лучшие результаты, чем CPLEX, а алгоритмы  $GA^{gt}$  и  $GA$  несколько уступают пакету CPLEX. Также обратим внимание на то, что применение процедуры объединения технологий по точкам событий увеличило частоту получения наилучшего известного решения.

Как видно из табл. 4 и 5, аналогичные результаты имеют место для задачи  $P|set_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Выявленные ранее статистически значимые различия сохраняются. Таким образом, при решении задач по модели (2) – (11) пакету CPLEX за установленное время не удается найти решение лучшего качества за счет возможности прерывания выполнения технологий. Это может свидетельствовать о том, что для получения решений лучшего качества необходимо больше времени или выбранного

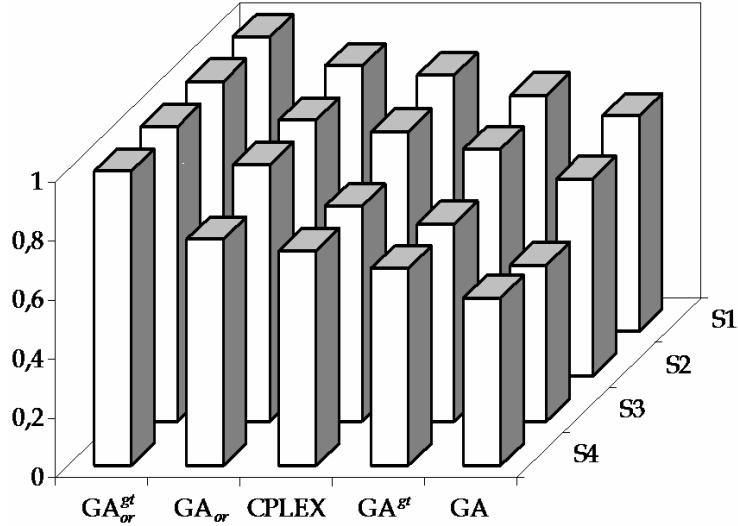


Рис. 1. Частота получения наилучшего известного решения

количества точек событий недостаточно.

В § 1 получена оценка  $d^m$  количества точек событий, заведомо достаточного для получения оптимального решения задачи  $P|set_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ . Однако использование  $d^m$  точек событий в модели (2) – (11) оказывается неэффективным при решении практически значимых задач, ввиду их большой размерности в данной модели. Так, например, увеличение числа точек событий в два раза приводит к следующему. На сериях  $S1, S2$  в двух тестовых примерах CPLEX за установленное время удается найти решение с меньшим значением целевой функции, чем у решений, полученных алгоритмом  $GA_{or}^{gt}$ , однако, на большинстве задач этих серий результаты пакета ухудшаются. На всех задачах серий  $S3, S4$  при увеличении числа точек событий в два раза CPLEX получает решения худшего качества, чем ранее. Увеличение числа точек событий до величины  $d$  на всех сериях приводит к дальнейшему ухудшению результатов пакета CPLEX при том же ограничении на время вычислений.

Отметим, что на всех сериях нижние оценки оптимума, полученные пакетом CPLEX за установленное время, в большинстве случаев оказались равными нулю. В связи с большим разрывом между значениями целевой функции полученных решений и нижними оценками, выяснение оптимальных значений целевой функции в задачах большой размерности представляется чрезмерно трудоемким. Однако для серии  $S1$  оптимальные решения найдены в дополнительном вычислительном эксперименте методом ветвей и границ из пакета CPLEX без ограничения времени счета. При этом использовались модели (2) – (11) и (2) – (12) при  $n_{\max} = 6$ . Время счета составило от 4 до 23 часов при работе пакета CPLEX в режиме с двумя процессорами.

Результаты данного эксперимента показали, что алгоритм  $GA_{or}^{gt}$  получает оптимальное решение задачи (2) – (12) при  $n_{\max} = 6$  во всех 30 тестовых примерах, алгоритм  $GA_{or}$  – в 27,  $GA^{gt}$  – в 24 и  $GA$  – в 22. Таким образом, в тех случаях, когда

исследуемым алгоритмам удавалось найти наилучшее значение целевой функции, это значение являлось оптимальным в модели (2) – (12) при  $n_{\max} = 6$ . Кроме того, в 29 тестовых примерах из 30 при  $n_{\max} = 6$  оптимальные значения целевой функции в моделях (2) – (11) и (2) – (12) равны между собой, а в одном примере отличаются примерно на 1.7%. В итоге алгоритм  $GA_{or}^{gt}$  получает оптимальное решение задачи (2) – (11) при  $n_{\max} = 6$  в 29 тестовых примерах, алгоритм  $GA_{or}$  – в 26,  $GA^{gt}$  – в 23 и  $GA$  – в 21.

Подводя итог, можно сделать вывод о целесообразности использования  $GA_{or}^{gt}$  и  $GA_{or}$  для нахождения за короткое время приближенного решения задач  $P|\text{set}_i, \Delta s_{luq}|C_{\max}$  и  $P|\text{set}_i, \text{pmtn}, \Delta s_{luq}|C_{\max}$ , по крайней мере, когда исходные данные аналогичны рассмотренным в вычислительном эксперименте.

## 5. Заключение

В статье рассмотрена задача составления расписаний с группировкой машин по технологиям. Особенностью постановки является то, что каждый продукт имеет несколько технологий производства, при выполнении которых используется сразу несколько машин, работающих одновременно. Построена модель частично целочисленного линейного программирования для данной задачи. Установлены новые полиномиально разрешимые и NP-трудные в сильном смысле частные случаи.

Для приближенного решения задачи разработаны генетический алгоритм с равномерным кроссинговером и генетический алгоритм с оптимальной рекомбинацией, основанные на решении серии подзадач пониженной размерности в соответствии с предложенной моделью. Исследована сходимость данных алгоритмов. Проведен вычислительный эксперимент на построенных случайным образом тестовых примерах, показавший существенное преимущество генетического алгоритма с оптимальной рекомбинацией по сравнению с непосредственным применением пакета CPLEX и с генетическим алгоритмом, использующим равномерный кроссинговер.

Авторы благодарят анонимного рецензента и П.А. Борисовского за ценные замечания.

## ЛИТЕРАТУРА

- [1] **Борисовский П.А.** Генетический алгоритм для одной задачи составления производственного расписания с переналадками // Тр. XIV Байкальской международной школы-семинара «Методы оптимизации и их приложения». – Иркутск: ИСЭМ СО РАН, 2008. Т. 4. С. 166 – 173.
- [2] **Гмурман В.Е.** Теория вероятностей и математическая статистика: Уч. пос. – М.: Высшее образование, 2006. – 479 с.
- [3] **Гэри М., Джонсон Д.** Вычислительные машины и труднорешаемые задачи. – М.: Мир, 1982. – 416 с.

- [4] Ильев В.П. Оценки погрешности приближенного алгоритма для задачи о раскраске графа // Тр. XIII Байкальской международной школы-семинара «Методы оптимизации и их приложения». – Иркутск: ИСЭМ СО РАН, 2005. Т. 1. С. 491 – 495.
- [5] Китаев А., Шень А., Вялый М. Классические и квантовые вычисления. – М.: МЦНМО, ЧеРо, 1999. – 192 с.
- [6] Коваленко Ю.В. Модель с непрерывным представлением времени для задачи составления расписаний многопродуктового производства // Препринт arxiv: 1105.2437 [math.OC]. – Cornell University, 2011. – 8 с.
- [7] Рутковская Д., Пилиньский М., Рутковский Л. Нейронные сети, генетические алгоритмы и нечеткие системы. – М.: Горячая линия – Телеком, 2006. – 452 с.
- [8] Танаев В.С., Ковалев М.Я., Шафранский Я.М. Теория расписаний. Групповые технологии. – Минск: Институт технической кибернетики НАН Беларусь, 1998. – 290 с.
- [9] Хачиян Л.Г. Полиномиальные алгоритмы в линейном программировании // Доклады АН СССР. 1979. Т. 244. С. 1093 – 1096.
- [10] Bianco L., Blazewicz J., Dell'Ohno P., Drozdowski M. Scheduling multiprocessor tasks on a dynamic configuration of dedicated processors // Annals of Operations Research. 1995. Vol. 58. P. 493 – 517.
- [11] Blazewicz J., Dell'Ohno P., Drozdowski M., Speranza M.G. Scheduling multiprocessor tasks on three dedicated processors // Information Processing Letters. 1992. Vol. 41. P. 275 – 280; Corrigendum: Vol. 49. P. 269 – 270.
- [12] Borisovsky P.A., Dolgui A., Eremeev A.V. Genetic algorithms for a supply management problem: MIP–recombination vs greedy decoder // European Journal of Operational Research. 2009. Vol. 195, N 3. P. 770 – 779.
- [13] Dolgui A., Eremeev A.V., Kovalyov M.Y. Multi-product lot-sizing and scheduling on unrelated parallel machines // Research Report No. 2007–500–011. – Saint-Etienne: Ecole des Mines de Saint-Etienne, 2007. – 15 p.
- [14] Drozdowski M. Scheduling multiprocessor tasks - An overview // European Journal of Operation Research. 1996. Vol. 94. P. 215 – 230.
- [15] Feige U., Kilian J. Zero knowledge and the chromatic number // Journal of Computer and System Science. 1998. Vol. 57, N 2. P. 187 – 199.
- [16] Floudas C.A., Kallrath J., Pitz H.J., Shaik M.A. Production scheduling of a large-scale industrial continuous plant: short-term and medium-term scheduling // Comp. Chem. Engng. 2009. Vol. 33. P. 670 – 686.
- [17] Håstad J. Clique is hard to approximate within  $n^{1-\varepsilon}$  // Acta Mathematica. 1999. Vol. 182. P. 105 – 142.

- [18] **Holland J.H.** Adaptation in natural and artificial systems. – Ann Arbor: University of Michigan Press, 1975. – 183 p.
- [19] **Hoogeveen J.A., van de Velde S.L., Veltman B.** Complexity of scheduling multi-processor tasks with prespecified processors allocations // Discrete Applied Mathematics. 1994. Vol. 55. P. 259 – 272.
- [20] **Ierapetritou M.G, Floudas C.A.** Effective continuous-time formulation for short-term scheduling: I. Multipurpose batch process // Ind. Eng. Chem. Res. 1998. Vol. 37. P. 4341 – 4359.
- [21] **Itai A., Papadimitriou C.H., Szwarcfiter J.L.** Hamilton paths in grid graphs // SIAM Journal of Computing. 1982. Vol. 11, N 4. P. 676 – 686.
- [22] **Jansen K., Porkolab L.** Preemptive scheduling with dedicated processors: applications of fractional graph coloring // Journal of Scheduling. 2004. Vol. 7. P. 35 – 48.
- [23] **Kubale M.** Preemptive versus nonpreemptive scheduling of biprocessor tasks on dedicated processors. // European Journal of Operational Research 1996. Vol. 94. P. 242 – 251.
- [24] **Lin X., Floudas C.A., Modi S., Juhasz N.M.** Continuous-time optimization approach for medium-range production scheduling of a multiproduct batch plant // Ind. Eng. Chem. Res. 2002. Vol. 41. P. 3884 – 3906.
- [25] **Papadimitriou C.H.** Computational complexity. – Mass.: Addison Wesley, 1994. – 540 p.
- [26] **Reeves C.R.** Genetic algorithms for the operation researcher // INFORMS Journal on Comput. 1997. Vol. 9, N 3. P. 231 – 250.
- [27] **Rudolph G.** Finite markov chain results in evolutionary computation: A tour d'horizon // Fundamental Informaticae. 1998. Vol. 35, N 1 – 4. P. 67 – 89.

# On Scheduling with Technology Based Machines Grouping

A.V. Eremeev, J.V. Kovalenko

**Abstract.** A problem of multi-product scheduling is considered. Each product can be produced by a family of alternative multi-machine technologies. Multi-machine technologies require more than one machine at the same time. The problem is studied in two versions: with and without preemptions of technologies processing. We formulate mixed integer linear programming models for both versions. Two variants of genetic algorithms are proposed and experimentally tested. The first variant of genetic algorithm is based on a uniform crossover and the second one uses a new optimal recombination operator. Convergence of the proposed algorithms is investigated. Computational complexity of the problem is analyzed.

**Keywords:** scheduling, setup time, technology, integer linear programming, genetic algorithm.